

Réservoirs viraux

Identifier par des approches moléculaires les réservoirs de virus et vecteurs des jaunisses de la betterave pour les intégrer dans les stratégies de gestion de la maladie.



AXE DU PNRI



Axe 1 - Amélioration de la compréhension de la situation sanitaire

LEVIER MOBILISÉ

Réservoirs viraux

RÉSUMÉ

Les travaux proposés dans ce projet visent à améliorer la compréhension de la dynamique spatio-temporelle des virus de la jaunisse et de leurs vecteurs. Les avancées récentes dans le développement d'outils de caractérisation moléculaire permettent d'espérer une identification fiable des réservoirs à partir desquels les pucerons porteurs de virus colonisent les parcelles de betteraves. Les actions proposées dans ce projet visent à inférer à partir d'outils moléculaires :

- la capacité migratrice des pucerons vecteurs pour mieux définir l'unité de gestion
- les plantes-sources des virus et des vecteurs qui colonisent les betteraves pour englober ces réservoirs dans les stratégies de gestion de la jaunisse
- l'importance respective des différents réservoirs sur l'incidence de la maladie pour cibler les actions de gestion.

Ce projet apportera également des connaissances nouvelles et opérationnelles sur la contribution des différentes populations clonales de pucerons à la dynamique épidémique. Ils permettront l'identification des réservoirs cultivés (cultures, résidus, adventices) et non cultivés à l'origine des jaunisses de la betterave.

ACTIONS DU PROJET

- Action 1** : Echantillonnage des pucerons
- Action 2** : Génotypage des pucerons
- Action 3** : Séquençage des pucerons
- Action 4** : Caractérisation du statut d'infection des pucerons

INFORMATIONS TECHNIQUES

Chef de file :



Durée du projet : 36 mois

Début de projet : avril 2021

Autre partenaire :

ITB

Projets en lien :

manipulation des pucerons par odeurs, stratégie de protection croisée, infrastructures agroécologiques

Chef de projet :

Jean-Christophe Simon

jean-christophe.simon@inrae.fr

Actualité du projet :

